

ComCor - Etude des facteurs sociodémographiques, comportements et pratiques associés à l'infection par le SARS-CoV-2 (ComCor)

Responsable(s) : Fontanet Arnaud, Unité d'épidémiologie des maladies émergentes

Date de modification : 28/01/2021 | Version : 1 | ID : 73794

Général

Identification

Nom détaillé	Etude des facteurs sociodémographiques, comportements et pratiques associés à l'infection par le SARS-CoV-2 (ComCor)
Sigle ou acronyme	ComCor
Numéro d'enregistrement (ID-RCB ou EUDRACT, CNIL, CPP, etc.)	Enregistrement CNIL DR-2020-337 / CPP 1-20-072 ID 9612

Thématiques générales

Domaine médical	Maladies infectieuses
Etude en lien avec la Covid-19	Oui
Pathologie, précisions	SARS-CoV-2, COVID-19
Déterminants de santé	Facteurs sociaux et psycho-sociaux Géographie Mode de vie et comportements Travail
Mots-clés	SARS-CoV-2, intervention non pharmaceutique, COVID-19, épidémiologie, transmission, facteurs de risque

Responsable(s) scientifique(s)

Nom du responsable	Fontanet
Prénom	Arnaud
Adresse	25-28 rue du Dr Roux 75015 PARIS
Laboratoire	Unité d'épidémiologie des maladies émergentes
Organisme	Institut Pasteur

Collaborations

Participation à des projets, des réseaux, des consortiums Non

Financements

Financements Mixte

Précisions REACTing, Institut Pasteur

Gouvernance de la base de données

Organisation(s) responsable(s) ou promoteur Institut Pasteur

Statut de l'organisation Secteur Privé

Existence de comités scientifique ou de pilotage Oui

Contact(s) supplémentaire(s)

Nom du contact Charmet

Prénom Tiffany

Adresse 25-28 rue du Dr Roux 75015 PARIS

Laboratoire Unité d'épidémiologie des maladies émergentes

Organisme Institut Pasteur

Caractéristiques

Type de base de données

Type de base de données Bases de données issues d'enquêtes

Base de données issues d'enquêtes, précisions Etudes cas-témoins

Origine du recrutement des participants Via un fichier de population
Via une base administrative ou un registre

Base ou registre, précisions base SI-DEP, fichier IPSOS

Critère de sélection des participants Autre traitement ou procédure

Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude Non

interventionnelle

Informations complémentaires concernant la constitution de l'échantillon

- Cas « index » : La Caisse nationale d'assurance Maladie générera hebdomadairement un courrier électronique aux cas identifiés comme positifs au cours de la semaine précédente au SARS-CoV-2 par PCR dans la base de données du système d'information de dépistage de la COVID-19, SI-DEP). Les emails contiendront un lien hypertexte générique vers le questionnaire hébergé par la plateforme de l'institut IPSOS. Les cas seront catégorisés selon qu'ils rapportent une contamination intra-domiciliaire (bras A3) ou non (bras A1 si la source de l'infection extra-domiciliaire est connue, A2 sinon).

- Témoins « proches » : Proche invité par le cas index, vivant à son domicile, et qui n'est pas la personne qui a infecté le cas index si une transmission intra-domiciliaire est suspectée. Ces témoins proches auront eu un résultat négatif à l'issue du test effectué dans le contexte du contact tracing. Les témoins seront catégorisés selon que le cas index qui les a invités rapporte une contamination intra-domiciliaire (bras B4) ou non (bras B3).

- Cas « proches » : Contactés via la même procédure que les témoins « proches » mais ayant eu un résultat positif à l'issue du test effectué dans le contexte du contact tracing. Ils seront considérés comme des cas rapportant une contamination intra-domiciliaire probable et seront catégorisés selon que le cas index qui les a invités rapporte une contamination intra-domiciliaire probable (bras B2) ou non (bras B1).

- Témoins « distants » : Sujets invités par Ipsos parmi des panélistes de l'institut ou de panels partenaires, indemnes de COVID-19, appariés sur l'âge (par tranches jusqu'à 68 ans inclus), le sexe, la densité populationnelle (par tranches) et la région de résidence avec les cas index. Ils constituent le bras C du diagramme. IPSOS invite les témoins distants par courriers électroniques générés de façon hebdomadaire, une semaine après le recrutement des cas index puis sélectionnés sur les critères d'appariement. L'email contiendra un lien vers le questionnaire hébergé par la plateforme de l'institut IPSOS.

Objectif principal

Identifier les caractéristiques sociodémographiques, les lieux fréquentés, et les comportements associés au risque d'infection par le SARS-CoV-2.

Critères d'inclusion

Tous les sujets :

- o Sujet majeur
- o Ayant accepté de participer à l'étude
- o Cas index :
- o Cas identifiés dans la base de données du système d'information de dépistage de la COVID-19, SIDEP
- o Avoir eu une recherche positive de SARS-CoV-2 par RT-PCR sur écouvillon nasopharyngé ou de gorge (ou tout autre prélèvement dont l'état de l'art considère qu'il indique une infection active si positif) dans les 14 derniers jours
- o Cas proches :
- o Vivre dans le même foyer (partageant le même domicile) que le cas l'ayant invité à participer
- o Avoir bénéficié d'une recherche positive de SARS-CoV2 par RT-PCR sur écouvillon nasopharyngé ou de gorge (ou tout autre prélèvement dont l'état de l'art considère qu'il indique une infection active si positif) suite au contact avec le cas index
- o Témoins proches :
- o Vivre dans le même foyer (partageant le même domicile) que le cas l'ayant invité à participer
- o Avoir bénéficié d'une recherche négative de SARSCoV-2 par RT-PCR sur écouvillon nasopharyngé ou de gorge (ou tout autre prélèvement dont l'état de l'art considère qu'il indique une infection active si positif) suite au contact avec le cas index
- o Témoins distants :
- o Avoir été sélectionné par IPSOS sur des critères d'âge, de sexe, et de département de résidence (appariement aux cas index)

Type de population

Age

Adulte (19 à 24 ans)
Adulte (25 à 44 ans)
Adulte (45 à 64 ans)
Personnes âgées (65 à 79 ans)
Grand âge (80 ans et plus)

Population concernée

Population générale

Pathologie	
Sexe	Masculin Féminin
Champ géographique	National
Détail du champ géographique	France
Collecte	
Dates	
Année du premier recueil	2020
Année du dernier recueil	2021
Taille de la base de données	
Taille de la base de données (en nombre d'individus)	> ou égal à 20 000 individus
Détail du nombre d'individus	90517
Données	
Activité de la base	Collecte des données active
Type de données recueillies	Données cliniques Données déclaratives Données biologiques
Détail des données cliniques recueillies	Présence de symptômes liés à la COVID-19 sur déclaration des participants
Données déclaratives, précisions	Auto-questionnaire internet Téléphone
Détail des données déclaratives recueillies	Circonstances de contamination (si connue), caractéristiques socio-démographiques (âge, sexe, département de résidence, niveau socio-économique, vie en milieu urbain ou rural, etc.), les lieux qu'ils fréquentent (transports en commun, travail, bars, restaurants, ?) et leurs comportements (adhésion aux gestes barrières, participation à des réunions, ?etc.).
Données biologiques, précisions	Résultat du test PCR ou antigénique COVID-19
Existence d'une bibliothèque	Non
Paramètres de santé étudiés	Evénements de santé/morbidité

Modalités

Mode de recueil des données Auto-questionnaire en ligne et questionnaire téléphonique

Procédures qualité utilisées Gestion de la base de données avec Stata 16.0

Suivi des participants Non

Pathologie suivies

Appariement avec des sources administratives Non

Valorisation et accès

Valorisation et accès

Lien vers le document <https://www.pasteur.fr/fr/espace-presse/documents-presse/etude-comcor-lieux-contamination-au-sars-cov-2-ou-francais-s-infectent-ils>

Description Communiqué de presse

Description Publication en cours

Accès

Site internet dédié [Site internet dédié au projet ComCor](#)

Existence d'un document qui répertorie les variables et les modalités de codage Non

Charte d'accès aux données (convention de mise à disposition, format de données et délais de mise à disposition) Modalités d'accès à la base de données en cours de définition

Accès aux données agrégées Accès restreint sur projet spécifique

Accès aux données individuelles Accès pas encore planifié