

EPIC - Etude descriptive et pronostique d'infection à coronavirus SARS-CoV-2 en Martinique menée dans une cohorte hospitalière de patient ayant une infection probable ou confirmée par le COVID-19

Responsable(s) : CABIE André, CIC Antilles Guyane - Inserm 1424 - Maladies infectieuses, génétiques et émergentes en zone tropicale
Chabartier Cyrille

Date de modification : 08/12/2020 | Version : 1 | ID : 73828

Général

Identification

Nom détaillé Etude descriptive et pronostique d'infection à coronavirus SARS-CoV-2 en Martinique menée dans une cohorte hospitalière de patient ayant une infection probable ou confirmée par le COVID-19

Sigle ou acronyme EPIC

Numéro d'enregistrement (ID-RCB ou EUDRACT, CNIL, CPP, etc.) MR-004

Thématiques générales

Domaine médical Maladies infectieuses

Etude en lien avec la Covid-19 Oui

Pathologie, précisions Covid-19

Mots-clés formes sévères, démographiques, cliniques, virologiques, immunologiques, facteurs prédictifs, biologiques

Responsable(s) scientifique(s)

Nom du responsable CABIE

Prénom André

Adresse CIC Antilles Guyane - Inserm 1424 - Maladies infectieuses, génétiques et émergentes en zone tropicale
CHU de Martinique - Hôpital P. Zobda-Quitman -
Maison de la recherche
97261 Fort-de-France Cedex

Téléphone 0596592697

Email	andre.cabie@inserm.fr
Laboratoire	CIC Antilles Guyane - Inserm 1424 - Maladies infectieuses, génétiques et émergentes en zone tropicale

Organisme	Inserm/Chu Martinique
-----------	-----------------------

Nom du responsable	Chabartier
--------------------	------------

Prénom	Cyrille
--------	---------

Adresse	Service de réanimation CHU de Martinique - Hôpital P. Zobda-Quitman 97261 Fort-de-France Cedex
---------	--

Email	cyrille.charbatier@chu-martinique.fr
-------	--------------------------------------

Organisme	CHU de Martinique
-----------	-------------------

Collaborations

Participation à des projets, des réseaux, des consortiums	Oui
---	-----

Précisions	Utilisation de la base de donnée pour des projets autour de la COVID-19 : 2 projets en cours
------------	--

Financements

Financements	Publique
--------------	----------

Précisions	CHU de Martinique
------------	-------------------

Gouvernance de la base de données

Organisation(s) responsable(s) ou promoteur	CHU de Martinique
---	-------------------

Statut de l'organisation	Secteur Public
--------------------------	----------------

Existence de comités scientifique ou de pilotage	Oui
--	-----

Contact(s) supplémentaire(s)

Nom du contact	Campana
----------------	---------

Prénom	Valentine
--------	-----------

Adresse	CIC Antilles Guyane - Inserm 1424 - Maladies
---------	--

infectieuses, génétiques et émergentes en zone tropicale
CHU de Martinique - Hôpital P. Zobda-Quitman -
Maison de la recherche
97261 Fort-de-France Cedex

Téléphone 0596592697

Email valentine.campana@inserm.fr

Laboratoire CIC Antilles Guyane - Inserm 1424 - Maladies infectieuses, génétiques et émergentes en zone tropicale

Organisme Inserm/CHU de Martinique

Caractéristiques

Type de base de données

Type de base de données Autres

Préciser Etude rétrospective sur dossier médicaux

Origine du recrutement des participants Via une sélection de services ou établissements de santé

Critère de sélection des participants Autre traitement ou procédure

Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude interventionnelle Non

Informations complémentaires concernant la constitution de l'échantillon Patient hospitalisés dans une unité dédiée à la prise en charge du COVID, y compris la réanimation, pour une infection possible ou confirmée par le SARS-CoV-2 (PCR+ et/ou scan évocateur) au Centre Hospitalier Universitaire de Martinique.

Objectif de la base de données

Objectif principal Identifier les facteurs démographiques, cliniques, biologiques, virologiques, immunologiques associés à, ou prédictif de la survenue d'une forme sévère de COVID-19 dans une cohorte d'enfants et d'adultes pris en charge en milieu hospitalier au CHU de Martinique.

Critères d'inclusion Critère d'inclusion : Patient hospitalisés dans une unité dédiée à la prise en charge du COVID, y compris la réanimation, pour une infection possible

ou confirmée par le SARS-CoV-2 (PCR+ et/ou scan évocateur) au Centre Hospitalier Universitaire de Martinique.

Critère de non inclusion : Refus de participation par le patient ou son représentant légal

Critères d'exclusion : patient avec un diagnostic d'infection confirmé par un pathogène autre que le SARS-CoV-2 et pas de probabilité de co-infection par le SARS-CoV-2

Type de population

Age
Adolescence (13 à 18 ans)
Adulte (19 à 24 ans)
Adulte (25 à 44 ans)
Adulte (45 à 64 ans)
Personnes âgées (65 à 79 ans)
Grand âge (80 ans et plus)

Population concernée
Sujets malades

Pathologie
B33 - Autres maladies à virus, non classées ailleurs

Sexe
Masculin
Féminin

Champ géographique
Régional

Régions concernées par la base de données
Martinique

Collecte

Dates

Année du premier recueil
2020

Taille de la base de données

Taille de la base de données (en nombre d'individus)
< 500 individus

Détail du nombre d'individus
Environ 150 patients pour la première vague, deuxième vague en cours

Données

Activité de la base
Collecte des données active

Type de données recueillies
Données cliniques
Données biologiques

Données cliniques, précisions
Dossier clinique

Détail des données cliniques recueillies	Antécédent, complications, signes et symptômes cliniques journaliers de l'arrivée aux urgences jusqu'à J30, traitements, Imagerie médical, événements cliniques
Données biologiques, précisions	données virologiques, bactériologiques, hématologique et biochimique effectuées au cours du séjour hospitalier
Existence d'une biothèque	Non
Paramètres de santé étudiés	Événements de santé/morbidité Événements de santé/mortalité Autres
Autres, précisions	facteurs de risque
Modalités	
Mode de recueil des données	Sur dossier médicaux
Suivi des participants	Non
Pathologie suivies	
Appariement avec des sources administratives	Non
Valorisation et accès	
Valorisation et accès	
Autres informations	Thèse de médecine générale en cours d'écriture
Accès	
Existence d'un document qui répertorie les variables et les modalités de codage	Oui
Accès aux données agrégées	Accès restreint sur projet spécifique
Accès aux données individuelles	Accès restreint sur projet spécifique